

Vorlesung: Phylogenetik  
Wintersemester 2006/2007

Übungen

Übung 9, Besprechung: 11.01.2007

1. Splitstree, Phylogenetische Netze.

Gegeben sei folgende Distanzmatrix:

	<i>A</i>	<i>B</i>	<i>C</i>	<i>D</i>	<i>E</i>
<i>A</i> :	0	6	8	9	9
<i>B</i> :		0	5	8	10
<i>C</i> :			0	4	8
<i>D</i> :				0	7
<i>E</i> :					0

Testen Sie **Splitstree** mit der angegebenen Distanzmatrix. Finden Sie dazu heraus, wie das *Nexus*-Format aussieht. Sie finden das Programm unter der URL <http://www.splitstree.org/>.

Vergleichen sie das Ergebnis mit dem Baum, den Sie mittels Neighbor Joining rekonstruiert haben.