Übungen zur Phylogenetik Vorlesung

Universität Bielefeld, WS 2014/2015, Dr. Roland Wittler, Kevin Lamkiewicz http://wiki.techfak.uni-bielefeld.de/gi/Teaching/2014winter/Phylogenetik

Blatt 7 vom 19.11.2014

Abgabe in einer Woche zu Beginn der Vorlesung oder vorab bei deinem Tutor oder beim Veranstalter.

Aufgabe 1 Additive Metrik, Ultrametrik.

(4 Punkte)

Es seien folgende Matrizen gegeben:

i)	A	В	С	D	Е
Α	0	10	10	10	4
В		0	2	6	10
С			0	6	10
D				0	10
E					0

ii)	Α	В	\mathbf{C}	D	Е
A	0	3	7	9	10
В С		0	8	10	11
\mathbf{C}			0	4	5
D				0	3
Е					0

Entscheide je für i) und ii), ob die Matrix eine additive oder sogar eine ultrametrische Metrik beschreibt. Begründe deine Entscheidung.

Aufgabe 2 Eigenschaften von Distanzen.

(4 Punkte)

Bei jeder Distanzfunktion d gilt der folgende Zusammenhang:

", d ist ultrametrisch" \Rightarrow ", d ist additiv" \Rightarrow ", d erfüllt die Dreiecksungleichung"

Beweise diesen Zusammenhang, indem du die folgenden Punkte zeigst:

- (a) "d genügt der $Drei-Punkt-Bedingung" <math>\Rightarrow$ "d genügt der Vier-Punkt-Bedingung"Beweisskizze: Für beliebige vier Elemente, gehen wir wiefolgt vor. Wir benennen zwei der Elemente, die minimalen Abstand haben mit a und b. Wir bennenen die beiden anderen Elemente c und d, so dass gilt $d_{ac} \leq d_{ad}$. Dann können a, b, c und d in genau zwei verschiedenen binären, ultrametrischen Bäumen angeordnet werden. Welche? In jedem der zwei Fälle gelten nun mehrere Drei-Punkt-Bedingungen (Welche?), die zur gesuchten Vier-Punkt-Bedingung kombiniert/umgeformt werden können. Wie? (Der Fall, dass die Distanzen einer nicht-binären Topologie entsprechen, muss nicht gesondert betrachtet werden. Diesen erfassen wir, indem wir Kanten der Länge Null erlauben. Zum Beispiel stellen wir ((a:2,b:2,c:2):1,d:3); binär als (((a:2,b:2):0,c:2):1,d:3); dar.)
- (b) "d genügt der Vier-Punkt-Bedingung" \Rightarrow "d erfüllt die Dreiecksungleichung"
 Tipp: Die Vier-Punkt-Bedingung kann auch auf drei Punkte angewendet werden.

Aufgabe 3 Clustering-Verfahren zur Baumrekonstruktion.

(4 Punkte)

Gegeben sei folgende Distanzmatrix:

	A	B	C	D	E	F
A:	0	4	8	18	18	6
B:		0	6	12	8	8
C:			0	18	18	12
D:				0	10	8
E:					0	12
F:						0

Verwende die folgenden Verfahren, um phylogenetische Bäume aus der Matrix zu rekonstruieren.

- (a) Complete linkage clustering.
- (b) UPGMA.

Gib in den Zwischenschritte die jeweils dazugehörige Matrix an und am Ende zusätzlich den finalen Baum. Existieren mehrere Möglichkeiten, gib alle an.

(c) Vergleiche die Resultate und stelle fest, ob die Matrix ultrametrisch ist. Begründe!